

ANTRAG AUF MOLEKULARPATHOLOGISCHE BEGUTACHTUNG

Prof. Dr. med. Frederick Klauschen

Direktor des Pathologischen Instituts der LMU München

Institut Campus Großhadern
Marchioninstr. 68, 81377 München
Telefon (089) 2180 - 76602
Telefax (089) 2180 – 76605
Rohrpost 4203

**Barcode
Pathologie**

Institut Campus Innenstadt
Thalkirchnerstr. 36, 80337 München
Telefon (089) 2180 - 73611
Telefax (089) 2180 – 73727
www.pathologie.med.uni-muenchen.de

Krankenkasse		
Name d. Versicherten	Vorname	Geb. am
Name d. Patienten/In	Vorname	Geb. am
Anschrift d. Versicherten (Straße, Hausnummer)		
PLZ	Wohnort	

<input type="checkbox"/> ambulant	<input type="checkbox"/> stationär
Abrechnung mit	<input type="checkbox"/> Klinik
	<input type="checkbox"/> Patient (Selbstzahler, privat: mit Einverst. d. Pat.)
	<input type="checkbox"/> Sonstige (Bundeswehr, BG, ...)

Bitte hier **Patienten-BARCODE** aufkleben –
Klinikum der Universität München

Einsender (Stempel, Unterschrift)

Nachforderung

Material/ Organ	OP/ Biopsiedatum:
Journalnummer Pathologie LMU (sofern bekannt):	

Klinische Information:

Einzel-Gen/ Protein-Analyse	
<input type="radio"/> ALK- Expression/ Translokation (IHC, FiSH)	<input type="radio"/> KIT-Mutationsanalyse (SEQ)
<input type="radio"/> BRAF-Mutationsanalyse (SEQ)	<input type="radio"/> KRAS-Mutationsanalyse (SEQ)
<input type="radio"/> BRCA-Mutationsanalyse (NGS)	<input type="radio"/> MSI-Typ (IHC, Fragmentanalyse)
<input type="radio"/> EGFR (IHC)	<input type="radio"/> NRAS-Mutationsanalyse (SEQ)
<input type="radio"/> EGFR-Mutationsanalyse (SEQ)	<input type="radio"/> PIK3-CA-Mutationsanalyse (SEQ)
<input type="radio"/> EGFR-Resistenz-Mutationsanalyse, T790M (SEQ)	<input type="radio"/> RAS-Mutationstestung (KRAS und NRAS)
<input type="radio"/> Her2/ neu-Expression (IHC/ FiSH)	<input type="radio"/> RET-Translokation (FiSH)
<input type="radio"/> Hormonrezeptoren-Expression (IHC)	<input type="radio"/> ROS1-Translokation (FiSH)

Genomische-Analyse (NGS)		
<input type="radio"/> Multigen-Analyse (161 Gene) <i>Oncomine Comprehensive v3</i>	<input type="radio"/> Multigen-Analyse (52 Gene) <i>Oncomine Focus</i>	<input type="radio"/> andere:
<input type="radio"/> Mutationslast – (TMB) <i>1.7 MB Territorium</i>	<input type="radio"/> Fusionen – Sarkom (26 Gene) <i>Archer DX FusionPlex®</i>	
Bitte ggf. telefonische Rücksprache unter (089) 2180 – 73602		

FiSH – Fluoreszenz in situ Hybridisierung, IHC – Immunhistochemie, NGS – Next Generation Sequencing, Seq - Sequenzierung

Unterschrift

Name in Druckbuchstaben

Telefon/ Funk für Rückfragen

ab hier nur von Pathologie auszufüllen: